



ANÁLISE E PROSPECÇÃO DE NOVOS GENES INFLUENCIADORES DO CÂNCER DE OVÁRIO POR FERRAMENTAS DE BIOINFORMÁTICA

Anne Wirginne de Lima Rodrigues¹, Igor Luiz Vieira de Lima Santos²

RESUMO

O câncer de ovário tem grande impacto na mortalidade por neoplasia no mundo sendo considerado um dos mais difíceis de ser encontrado e de baixa taxa de cura. Segundo o INCA o câncer de ovário acomete cerca de 5.680 mulheres e a melhoria da qualidade da obtenção da história familiar de câncer em mulheres em seguimento ginecológico regular é uma necessidade para uma detecção mais precoce dos casos que merecem uma estratégia de prevenção diferenciada. O objetivo geral do trabalho é analisar sistematicamente os genes envolvidos nas vias de progressão do câncer de ovário. A metodologia empregada para este trabalho trata-se de um estudo tecnológico e exploratório, bem como de revisão bibliográfica como ferramenta para a compreensão dos fatores genéticos associados com o câncer de ovário. A utilização de tecnologias genéticas para a aquisição de informações sobre a presença de marcadores genéticos nos pacientes é um dos mecanismos mais efetivos para a rastreabilidade dos possíveis acometidos por câncer de qualquer tipo. Novos designs racionais da análise de genes envolvidos no processo favorecem o seu conhecimento prévio e aumento da taxa de sucesso no tratamento dos pacientes acometidos por esse tipo de câncer gerando novos caminhos e possibilidades médicas no uso de compostos em tratamentos que favoreçam uma melhor qualidade de vida do paciente e se possível a cura. Além disso, essas informações podem redobrar a atenção das mulheres para rever as práticas de prevenção ao diagnosticar eficientemente esses genes e reduzir da taxa de câncer de ovário na população feminina.

Palavras-chave: Neoplasias Ovarianas; Síndrome Hereditária de Câncer de Mama e Ovário; Genes.

1 Aluna do Curso de Enfermagem, Centro de Educação e Saúde, UFCG, Campina Grande, PB, e-mail: annevirginne@gmail.com

2 Professor Doutor em Biotecnologia, Professor Adjunto, Centro de Educação e Saúde-UABQ, UFCG, Campina Grande, PB, e-mail: igorsantosufcg@gmail.com



***SYSTEMATIC AND APPLIED PROSPECTING OF THE GENETIC INHERITANCE
OF DEPRESSION USING BIOINFORMATICS TOOLS.***

ABSTRACT

Ovarian cancer has a great impact on cancer mortality in the world and is considered one of the most difficult to find and has a low cure rate. According to INCA, ovarian cancer affects about 5,680 women and improving the quality of obtaining a family history of cancer in women undergoing regular gynecological follow-up is a necessity for earlier detection of cases that deserve a differentiated prevention strategy. The general objective of the work is to systematically analyze the genes involved in the progression of ovarian cancer. The methodology used for this work is a technological and exploratory study, as well as a literature review as a tool for understanding the genetic factors associated with ovarian cancer. The use of genetic technologies for the acquisition of information about the presence of genetic markers in patients is one of the most effective mechanisms for the traceability of those possibly affected by cancer of any type. New rational designs of the analysis of genes involved in the process favor their prior knowledge and increase the success rate in the treatment of patients affected by this type of cancer, generating new paths and medical possibilities in the use of compounds in treatments that favor a better quality of life of the patient and, if possible, the cure. In addition, this information can redouble the attention of women to review prevention practices by efficiently diagnosing these genes and reducing the rate of ovarian cancer in the female population.

Keywords: Ovarian Neoplasms; Hereditary Breast and Ovarian Cancer Syndrome; Genes.